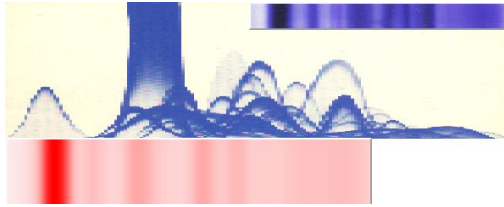


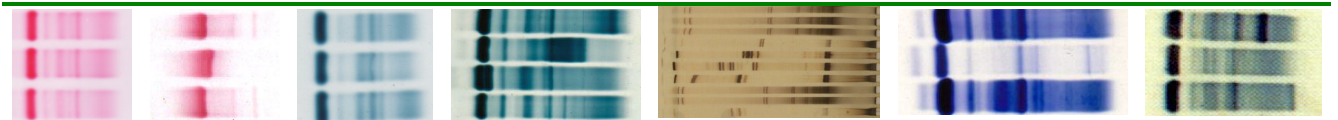
Software per la lettura densitometrica di tracciati elettroforetici



UN'APPLICAZIONE CHE CONSENTE DI ELABORARE LE IMMAGINI OTTENUTE DA SCANSIONI RELATIVE A MIGRAZIONI ELETTROFORETICHE.

1) Una volta eseguita l'**ELETTROFORESI** (sieroproteine a 5 o 6 bande, emoglobine, lipoproteine, isoenzimi, multifrazionamento, immunofissazione, ecc.) con tecniche manuali, automatiche o semiautomatiche, su

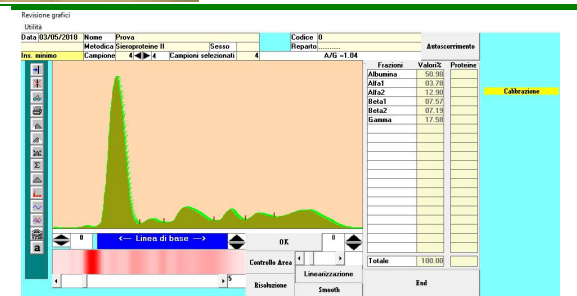
SUPPORTI PIANI, quali Acetato di Cellulosa, Gel di Agarosio, Gel di Poliacrilammide o altro...



2) ... le strisce, libere, montate su vetrino, o supportate in Mylar® vanno posizionate nello scanner, con l'unico accorgimento di **ORIENTARLE** nel senso della migrazione.

3) Si esegue la **SCANSIONE**

4) ... le immagine lette dallo scanner e memorizzate sul pc vengono elaborate dal software che analizza i singoli tracciati, e per ognuno costruisce un grafico visualizzabile sul monitor, già suddiviso automaticamente in "frazioni", corrispondenti alle rispettive frazioni proteiche di cui il programma stesso calcola le percentuali ed eventualmente le concentrazioni parziali.

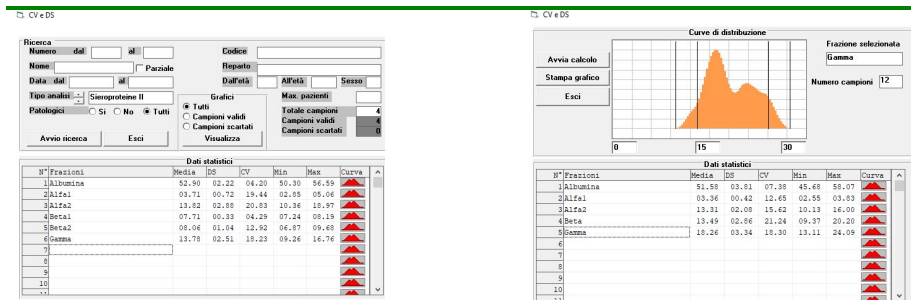


5) Sul monitor e in stampa viene inoltre mostrata **L'IMMAGINE FOTOGRAFICA DEL TRACCIATO** elettroforetico.

6) È possibile effettuare la **CALIBRAZIONE** delle letture, utilizzando un campione a titolo noto (controllo o altro), attraverso l'uso di semplici cursori che generano un fattore di correzione per ogni frazione.

7) Una sezione interamente dedicata al **CONTROLLO DI QUALITÀ**, consente di effettuare calcoli statistici, fornendo i coefficienti di variazione, le deviazioni standard, ed altri dati, estrapolati dai valori relativi ai campioni selezionati in base ad un **CRITERIO**, che può usare come chiave di ricerca una combinazione di parametri, tra cui il nome, il codice, il

reparto, il sesso, l'età, il periodo di riferimento ecc. Per ogni frazione viene costruita la **CURVA DI DISTRIBUZIONE** relativa alla selezione dei campioni, utile oltre che per la verifica dell'accuratezza nel tempo, anche per la **DETERMINAZIONE DEGLI EFFETTIVI INTERVALLI DI RIFERIMENTO**, riferiti alla popolazione del proprio bacino di utenza, analizzati, su base statistica, con il metodo in uso nel laboratorio.



Le letture, consentono l'uso dei cromogeni più largamente utilizzati tra cui: Rosso Ponceau S, FAT RED, Sudan Black, Nero d'amido, Violet 17, Blu Coomassie, ecc., e qualsiasi altro colorante o cromogeno che operi nel visibile.

ed intuitiva guida l'operatore, in ambiente windows, ad effettuare con mouse e tastiera, tutte le operazioni necessarie per leggere i tracciati, valutarne i grafici, effettuare eventuali correzioni, inserire le anagrafiche pazienti, archivarli, stamparne i referti, ecc.

8) SOFTWARE:

Il software prevede il riconoscimento automatico delle frazioni ma consente di correggere (se necessario), i grafici dei campioni. L'inserimento dei valori di proteine totali dei campioni, consente di ottenere un referto completo di tutte le informazioni necessarie: l'operatore può modificare le impostazioni di default dei parametri relativi ad ogni metodica (p.es., nome della metodica, intervalli di riferimento, eventuale correttore di linearità, nomi delle singole frazioni, lunghezza d'onda, ecc.). possono essere definite oltre **60 TRA METODICHE E SPECIE DIVERSE** con valori di riferimento e parametri di lavoro personalizzabili. Un'interfaccia semplice

9) REFERTAZIONE

Di ogni frazione viene fornita la stampa di grafico, dati, e foto rielaborata del tracciato elettroforetico a cui si è appena fatto riferimento; ogni tracciato viene immediatamente memorizzato in archivio e partecipa ai calcoli statistici.

